

[A página principal](#)[A Hidatidosis](#)

Hidatidosis - Echinococcosis: Resúmenes

JORNADAS NACIONALES DE HIDATIDOSIS - 2das JORNADAS PROVINCIALES DE HIDATIDOSIS
ESPERANZA, SANTA FE. 04 Y 05 DE SEPTIEMBRE DE 2003 - FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS - UNL

Análisis de la variabilidad genética del Antígeno B de E. granulosus

Muzulin, P, Kamenetzky L, Gutiérrez A, Naidich A, Rosenzvit, M., Guarnera, E.

Departamento de Parasitología, ANLIS Dr. "Carlos G. Malbrán". Buenos Aires.

pmuzulin@anlis.gov.ar

Introducción: La hidatidosis es causada por el cestode *Echinococcus granulosus*. Hasta el momento se describieron nueve variantes genéticas o cepas (Genotipos G1 -G9). En nuestro país están presentes cinco variantes genéticas: cepa oveja (G1), oveja de Tasmania (G2), vaca (G5), camello (G6) y cerdo (G7). El estadio larvario de este parásito es un quiste de ubicación predominantemente visceral, con un contenido acuoso llamado líquido hidatídico. Los antígenos parasitarios presentes en el líquido hidatídico han sido extensivamente estudiados debido a su utilidad en el diagnóstico de la hidatidosis. Uno de los principales es el antígeno B, una lipoproteína que fue identificada como un inhibidor de proteasas, con capacidad de inhibir la quimiotaxis de neutrófilos. Se ha demostrado que al menos hay dos genes que codifican para la subunidad menor del AgB: AgB/1 y AgB/2. (Fernandez y col, 1996), (Rott y col, 2000). Objetivo: Analizar la variabilidad genética del AgB de *E. granulosus*. Metodología: Se amplificaron por PCR con primers específicos el AgB/1 y AgB/2 a partir de las cepas G1, G2, G5, G6 y G7. Se clonaron los productos de PCR en el vector T y los insertos fueron amplificados y analizados por la técnica de SSCP (Polimorfismo Conformacional de fragmentos de Simple Cadena) y se secuenciaron los plásmidos con patrones distintos. Resultados: En la cepa G7 se encontraron 6 variantes genómicas en el AgB1 y 8 en el AgB2, en la cepa G6 hubo 4 variantes en el AgB1 y 5 en el AgB2, en el resto de las cepas se analizó la variabilidad en el AgB2 donde se encontraron 9 variantes en la cepa G1, 3 en la cepa G2 y 2 en la cepa G5. Discusión: La gran variabilidad genética que se encontró en el AgB podría tener importancia en el diagnóstico de la hidatidosis, por otro lado indicaría un posible rol de este antígeno en los mecanismos de evasión del parásito.

Bibliografía

Rott M.B., Fernandez V., Farias S., Ceni J., Ferreira H.B., Haag K. L., Zaha A. (2000). *Acta tropica*, 75, 331-340.

Fernandez, V., Ferreira, H.B., Fernandez, C., Zaha, A., Nieto, A. (1996). *Molecular and Biochemical Parasitology* 77, 247-250.

[A página principal](#)[A Hidatidosis](#)

